

TABLE S2

Inversions constructed for *Dp(1;Y)* screens

Inversion	Distal insertion	Proximal insertion	Genomic coordinates	Cytology
<i>In(1)BSC1</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG36005-HA-1598</i>	X:387562;1837325	1B5;2B17
<i>In(1)BSC2</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}5-SZ-3121</i>	X:387562;2219975	1B5;2F6
<i>In(1)BSC24</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}5-HA-1961</i>	X:387562;3266986	1B5;3D2
<i>In(1)BSC3</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}Mnt5-SZ-3142</i>	X:387562;3583172	1B5;3E3
<i>In(1)BSC4</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG40685-SZ-3655</i>	X:387562;4825473	1B5;4D7
<i>In(1)BSC5</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG31255-SZ-4068</i>	X:387562;5641035	1B5;5B6
<i>In(1)BSC6</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}5-SZ-3429</i>	X:387562;5882812	1B5;5D1
<i>In(1)BSC30^a</i>	<i>P{RS5}arg5-SZ-4074</i>	<i>P{RS3}CB-0332-3</i>	X:417311;6589040	1B8;6C7
<i>In(1)BSC8</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG96505-HA-1616</i>	X:387562;7090126	1B5;7A3
<i>In(1)BSC9</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}sd15-SZ-3206</i>	X:387562;8087225	1B5;7D18
<i>In(1)BSC10</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG109625-SZ-4103</i>	X:387562;8924088	1B5;8C3
<i>In(1)BSC25</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}5-HA-1967</i>	X:387562;9580686	1B5;8F9
<i>In(1)BSC11</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}ras5-SZ-4112</i>	X:387562;10638967	1B5;9E1
<i>In(1)BSC12</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG117275-SZ-3419</i>	X:387562;11347991	1B5;10B14
<i>In(1)BSC13</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}5-SZ-4084</i>	X:387562;11901120	1B5;11A1
<i>In(1)BSC26</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG44075-HA-1857</i>	X:387562;12797208	1B5;11D1
<i>In(1)BSC32</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}HDAC45-HA-2919</i>	X:387562;13178324	1B5;11E8
<i>In(1)BSC14</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}5-SZ-4073</i>	X:387562;14720102	1B5;12F4
<i>In(1)BSC27</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}Gmap5-HA-1831</i>	X:387562;15392986	1B5;13C5
<i>In(1)BSC16</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}5-SZ-3670</i>	X:387562;15985699	1B5;14A9
<i>In(1)BSC17</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}r5-HA-1737</i>	X:387562;16549850	1B5;14F5
<i>In(1)BSC33</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG47685-HA-1883</i>	X:387562;16686364	1B5;15A8
<i>In(1)BSC31^a</i>	<i>P{RS3}UM-8274-3</i>	<i>P{RS5}5-HA-1765</i>	X:580813;17001665	1C2;15E3
<i>In(1)BSC19</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG325565-HA-1561</i>	X:387562;17576847	1B5;16C1
<i>In(1)BSC20</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG64615-HA-1134</i>	X:387562;18400974	1B5;17C1
<i>In(1)BSC21</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}CG141945-SZ-3651</i>	X:387562;19087625	1B5;18A7
<i>In(1)BSC22</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}amn5-SZ-3656</i>	X:387562;19781188	1B5;19A2
<i>In(1)BSC28</i>	<i>P{RS3}CB-5805-3</i>	<i>P{RS5}5-HA-1907</i>	X:387562;21961315	1B5;20C3

^a*In(1)BSC30* and *In(1)BSC31* were constructed with nonstandard insertion combinations, because standard insertions did not exist in the regions of the desired proximal breakpoints.