

Table S1: Numerical results of the yeast cross analysis

Trait	h^2	s.e.	h_2^2	s.e.	Z_2	$h_>^2$	s.e.	$Z_>$	H^2
Cadmium Chloride	0.83	0.03	0.00	0.04	0.00	0.50	0.05	2.81	0.96
Maltose	0.72	0.03	0.02	0.04	0.45	0.34	0.05	3.85	0.94
Tunicamycin	0.73	0.03	0.09	0.04	2.15	0.01	0.05	1.75	0.91
Zeocin	0.54	0.04	0.04	0.07	0.59	0.26	0.08	4.14	0.90
4-Hydroxybenzaldehyde	0.52	0.04	0.08	0.07	1.07	0.11	0.08	3.55	0.89
Lactose	0.62	0.04	0.09	0.06	1.57	0.04	0.07	2.69	0.89
YPD:4C	0.51	0.05	0.19	0.09	2.16	0.01	0.10	1.77	0.88
Lithium Chloride	0.77	0.03	0.11	0.04	2.74	0.00	0.05	0.00	0.87
Manganese Sulfate	0.42	0.04	0.32	0.08	4.08	0.00	0.09	1.48	0.87
4NQO	0.75	0.03	0.05	0.04	1.39	0.07	0.05	1.13	0.86
Neomycin	0.69	0.03	0.02	0.05	0.46	0.32	0.06	2.59	0.86
Cobalt Chloride	0.55	0.04	0.07	0.07	1.13	0.11	0.08	2.95	0.85
YPD:15C	0.47	0.04	0.06	0.07	0.79	0.22	0.08	3.78	0.84
Lactate	0.60	0.04	0.10	0.06	1.67	0.04	0.07	1.95	0.84
YPD:37C	0.63	0.04	0.09	0.06	1.64	0.04	0.07	1.64	0.83
SDS	0.52	0.05	0.10	0.08	1.31	0.09	0.10	1.98	0.81
Indoleacetic Acid	0.41	0.04	0.13	0.08	1.62	0.04	0.09	2.91	0.81
YNB	0.58	0.04	0.09	0.06	1.41	0.06	0.07	1.80	0.80
Paraquat	0.58	0.04	0.03	0.06	0.58	0.28	0.07	2.53	0.79
5-Fluorouracil	0.67	0.03	0.12	0.05	2.14	0.01	0.07	0.00	0.78
YNB:ph8	0.47	0.04	0.14	0.08	1.76	0.03	0.09	1.80	0.78
Copper	0.38	0.04	0.23	0.08	2.66	0.00	0.10	1.81	0.78
Trehalose	0.54	0.04	0.16	0.07	2.40	0.00	0.08	0.81	0.77
E6 Berbamine	0.53	0.04	0.16	0.07	2.36	0.00	0.08	0.90	0.77
YPD	0.60	0.04	0.08	0.06	1.38	0.07	0.07	1.07	0.76
Xylose	0.49	0.04	0.17	0.08	2.25	0.01	0.09	1.15	0.76
Formamide	0.38	0.05	0.18	0.08	2.20	0.01	0.10	2.14	0.76
Ethanol	0.49	0.04	0.17	0.08	2.26	0.01	0.09	0.93	0.75
Hydroxyurea	0.48	0.05	0.27	0.08	3.29	0.00	0.10	0.00	0.74
Cycloheximide	0.59	0.04	0.07	0.06	1.20	0.10	0.07	0.80	0.72
Congo red	0.61	0.04	0.03	0.06	0.47	0.32	0.07	1.03	0.71
Sorbitol	0.45	0.05	0.19	0.13	1.46	0.06	0.15	0.38	0.70
5-Fluorocytosine	0.54	0.04	0.10	0.07	1.44	0.06	0.09	0.67	0.70
Diamide	0.51	0.04	0.00	0.07	0.00	0.48	0.08	2.35	0.70
Menadione	0.43	0.04	0.10	0.08	1.34	0.07	0.09	1.34	0.65
Hydrogen Peroxide	0.51	0.05	0.12	0.09	1.29	0.09	0.11	0.00	0.63
Raffinose	0.47	0.05	0.04	0.11	0.40	0.35	0.13	0.91	0.63
Galactose	0.28	0.04	0.15	0.10	1.57	0.05	0.11	1.74	0.63

Trait	h^2	s.e.	h_2^2	s.e.	Z_2	$h_>^2$	s.e.	$Z_>$	H^2
Hydroquinone	0.24	0.04	0.00	0.10	0.00	0.50	0.11	3.31	0.60
Magnesium Chloride	0.29	0.04	0.01	0.09	0.11	0.47	0.10	2.55	0.57
6-Azauracil	0.35	0.04	0.00	0.08	0.00	0.48	0.09	2.22	0.56
Cisplatin	0.33	0.04	0.03	0.09	0.35	0.34	0.10	1.25	0.49
Calcium Chloride	0.32	0.04	0.13	0.09	1.39	0.07	0.11	0.20	0.47
Caffeine	0.25	0.04	0.18	0.10	1.91	0.01	0.11	0.11	0.44
Mannose	0.24	0.04	0.07	0.10	0.70	0.24	0.12	0.94	0.42
YNB:ph3	0.18	0.04	0.00	0.10	0.00	0.49	0.11	1.95	0.40

The table gives the estimates of the heritability components followed by their standard errors in the right adjacent column. Z_2 is the estimate of h_2^2 divided by its estimated standard error; $Z_>$ is the estimate of $h_>^2$ divided by its estimated standard error.